

- 対象とするデータによって ,計算時間が大きく変わるけれども ,マルチプルアライメントとPrefixSpan法 ,もしくは可変ギャップ法 ,固定ギャップ法の計算時間の比較を明確にした方が良い .
- 既に ,得られている生物学的知識を用いて ,新たなモチーフを発見する場合に ,その知識を生かすことができるか ?